



Réunion du groupe 3 du FrOGG

Pathologies lymphoïdes matures et myélomes

Christine Lefebvre, Agnès Daudignon

30/11/2023 et 23/01/2024

Participants du Groupe 3 : 26 membres (oct 2024)

Mise à jour le 25/10/2024

Nom Prénom	Mail	Site
BALDUCCI Estelle	estelle.balducci@aphp.fr	APHP-NCK
BORIES Claire	claire.borie@aphp.fr	APHP-Paul Brousse
CALLIER Patrick	patrick.callier@chu-dijon.fr	CHU Dijon
CHAPIRO Elise	elise.chapiro@aphp.fr	APHP-PSL
CHAUZEIX Jasmine	jasmine.chauzeix@chu-limoges.fr	CHU limoges
DAUDIGNON Agnès	agnes.daudignon@chu-lille.fr	CHU Lille
DOUET-GUILBERT Nathalie	nathalie.douet-guilbert@chu-brest.fr	CHU Brest
FRANCIN Pierre Jean	pierre-jean.francin@chu-dijon.fr	CHU Dijon
GACHARD Nathalie	nathalie.gachard@unilim.fr	CHU limoges
GAGNON Marie-France	mfrance.gagnon@gmail.com	APHP-NCK
GAILLARD Baptiste	bgaillard@chu-reims.fr	CHU Reims
GAILLARD Jean-Baptiste	jb-gaillard@chu-montpellier.fr	CHU Montpellier
GERVAIS Carine	Carine.GERVAIS@chru-strasbourg.fr	CHU Strasbourg
GIGUERE Amélie	Amelie.giguere@chudequebec.ca	Hôpital Maisonneuve-Rosemont Montreal
GIMELLI Stefania	stefania.gimelli@hug.ch	Genève
LAZGA Hadjer	hadjer.lazga@aphp.fr	APHP -SAT
LEFEBVRE Christine	CLefebvre@chu-grenoble.fr	CHU Grenoble
MARTINET Danielle	Danielle.Martinet@hcuge.ch	Genève (retraite au 30/12/2024)
MENTEN Catherine	c.menten@chuliege.be	Liège
NADAL Nathalie	nathalie.nadal@chu-dijon.fr	CHU Dijon
PENTHER Dominique	dominique.penther@chb.unicancer.fr	CHB Rouen
POW SCHOUMANS Jacqueline	jacqueline.schoumans@chuv.ch	Lausanne
QUILICHINI Benoit	Benoit.QUILICHINI@biomnis.eurofinseu.com	Biomnis Bron
RAYMOND-BOUCHARD Isabelle	isabelle.raymond-bouchard.cemtl@ssss.gouv.qc.ca	Hôpital Maisonneuve-Rosemont Montreal
ROYNARD Pauline	pauline.roynard@chu-lille.fr	CHU Lille
TUEUR Giulia	giulia.tueur@aphp.fr	APHP-AVC
VERONESE Lauren	lveronese@chu-clermontferrand.fr	CHU Clermontferrand

Présents en visio le 30/11/2023

- LEFEBVRE Christine clefebvre@chu-grenoble.fr
- DAUDIGNON Agnes <Agnes.DAUDIGNON@chu-lille.fr>
- CHAPIRO Élise <elise.chapiro@aphp.fr>;
- CHAUZEIX Jasmine <jasmine.chauzeix@unilim.fr>;
- DOUET-GUILBERT NATHALIE <nathalie.douet-guilbert@chu-brest.fr>;
- GAILLARD JEAN BAPTISTE <jb-gaillard@chu-montpellier.fr>;
- GAILLARD Baptiste <bgaillard@chu-reims.fr>;
- Gagnon Marie-France <mfrance.gagnon@gmail.com>
- GIGUERE Amélie <ameliegiguere.2@gmail.com>;
- MARTINET danielle <danielle.martinet@hcuge.ch>;
- Menten Catherine <c.menten@chu.ULG.ac.be>;
- NADAL Nathalie (Dijon) <nathalie.nadal@chu-dijon.fr>;
- Schoumans Jacqueline <jacqueline.schoumans@chuv.ch>;
- RAYMOND-BOUCHARD Isabelle <isabelle.raymond-bouchard.cemtl@ssss.gouv.qc.ca>;
- ROYNARD, Pauline <Pauline.ROYNARD@chu-lille.fr>;
- GERVAIS Carine <Carine.GERVAIS@chru-strasbourg.fr>;

Excusées

- GACHARD Nathalie <nathalie.gachard@unilim.fr>;
- PENTHER Dominique <dominique.penther@chb.unicancer.fr>;

Proposition d'ordre du jour :

Etat des lieux et propositions d'organisation / points à travailler

- Centres équipés ou en projet d'équipement
- Activités réalisées / envisagées
- Sous-groupes de travail ? Myélomes / lymphomes
- Particularités du préanalytique (lymphomes, myélomes)
- Interprétation OGM : particularités des lymphomes / myélomes
- Cas discordants et problématiques
- Rythme des réunions en visio et programme
- Autres idées ?

Deux sous-groupes de travail 1) myélomes, 2) lymphomes ou un seul ?

- Préanalytique du tri dans les myélomes
- Un seul groupe permet de partager l'ensemble des questions
- Réunions thématiques pour l'un ou l'autre
- Proposition : alternance des réunions

Identifier les particularités du préanalytique des hémopathies lymphoïdes matures et des myélomes

Matrice / nature du prélèvement

- Myélomes : tri plasmocytaire préalable
 - richesse du prélèvement en plasmocytes
 - quantité initiale (volume) à demander ?
 - tube EDTA
- Lymphomes (moelle, sang) :
 - aucune différence avec une prépa standard / myéloïde
 - procédure générique
- Lymphomes (tissu) : partage d'expérience
 - cellules en suspension à partir de tissu frais → culot cellulaire
 - cellules en DMSO
 - tissu congelé
 - impact de la viabilité cellulaire

Difficultés d'interprétation : questions transversales

avec les autres sous-groupes ?

- Proportion de cellules lymphomateuses/myélomateuses dans l'échantillon
- Anomalies sous-clonales
- Tétraploïdie
- Artéfacts et faux positifs : faire la différence entre un artéfact et une anomalie sous-clonale n'est pas si simple
- Autres ?

Lister les particularités et difficultés de l'interprétation des hémopathies lymphoïdes matures et myélomes

- Distance entre le point de cassure d'une translocation et le gène dérégulé
 - *MYC*
 - *CCND1*
 - *BCL6*
 - et les autres ...
 - établir les bornes (centromérique et télomérique) des points de cassure de ces gènes → Bed file
- Translocations impliquant un gène « subtélomérique » ex. IGH/14q32.3
- Anomalies (**translocations diagnostiques**) uniquement détectées avec le pipeline De Novo Assembly (et pas en RVA)
 - Pipeline intermédiaire RVA/DNA ? Guided Assembly... (pipeline jumelant les 2)
 - Mise à jour en cours de Bionano
- Gènes mal couverts en OGM (fichiers masks) : liste ?

Recenser des cas discordants (cytogénétique vs OGM) et problématiques ?

- Présentation/partage de cas en visio ?
- Collecter les cas discordants CG vs OGM pourrait permettre d'identifier les « points faibles » de l'OGM spécifiquement associés aux pathologies lymphoïdes matures/myélomes
Ex. points de cassure péricentromérique ou subtélomérique : translocation bras à bras ou translocation déséquilibrée
- Collecter les cas pour lesquels l'anomalie (ou les anomalies) classante(s) n'est (ne sont) détectée(s) que dans un des 2 pipelines (Rare variant analysis ou De novo assembly)
Ex. Pb de *TP53*, surtout si pas diploïde (tétraploïde)
- Collecter les cas de remaniements très complexes (chromothripsis, chromoplexie...) : consortium chromoanagenesis chromothripsis/plexie : transversal → données + confirmation SNPa ou autre, template insertion ?

Bed file (ou beds files)

- Un bed file myélome : oui
- Deux beds files : lymphomes B et lymphomes T ? oui

avec extension des bornes/coordonnées de certains gènes

- Un bed file LLC : oui
- **Répartition des participants** pour la constitution de ces bed files
- Idée de diffusion au GFCH sur le site ACLF

Autres idées / propositions ?

- Rythme des réunions en visio : toutes les 8 semaines, on avise ensuite
- Prochaine en avril : doodle semaine 3-4
- Programme / ODJ

Info : consortium européen en cours d'organisation pour définir les remaniements complexes (chromoanagenesis)

Création d'un sous-groupe n°6 Chromoanagénésis le 4/12/23 :
coordonné par Jean-Baptiste Gaillard et Hélène Guermouche

Lausanne : OGM pour les myélomes (préanalytique, tests en cours, preneurs d'informations) : réunion thématique à envisager

Conclusions

Les points prioritaires et besoins exprimés lors de cette 1ere visio :

- **réunions thématiques** : à mettre en place,
- **aspect technique** : prépa des échantillons programmés pour OGM
- **analyse et interprétation** :
 - filtres à activer,
 - points de cassure,
 - faux négatifs,
 - quelles anomalies à intégrer dans le compte rendu...
 - Identifier les spécificités liées aux hémopathies lymphoïdes matures
- **bed files** : dans le même temps

Répartition des participants du groupe 3 pour l'élaboration des Bed files

Nom	BED LNH B	BED LLC	BED Myélome	BED LNH T
Christine Lefebvre	x	x		x
Agnès Daudignon			x	
Pauline Roynard	x			x
Elise Chapiro	x	x		x
Isabelle Raymond-Bouchard			x	
Marie-France Gagnon	x			x
Carine Gervais			x	
Baptiste Gaillard			X	
Jean Baptiste Gaillard				x
Nathalie Douet-Guilbert		x		
Hadjer Lazga	x			
Nathalie Nadal				
Lauren Veronese	x	x		
Giulia Tueur		x		