CHROMOANAGENESIS

Les coulisses d'un chaos

GFCH - 15/06/2023

CHROMOANAGENESIS

Décrit en 2011 et comprend :

- Chromothripsis
- Chromoanasythesis
- Chromoplexy

Nouveau modèle de développement tumoral :

Evènement cataclysmique

Acquisition de nombreuses anomalies en une ou quelques étapes

Contrastant avec l'acquisition graduelle au cours du temps

CHROMOTHRIPSIS

- “chromo” for chromosome and “thripsis” for shattering into pieces
- Décrit initialement en 2011 dans une LLC

Stephens PJ, Cell, 2011

Cassures double-brin

Fragmentation chromosomique et réarrangement aléatoires non ordonnés par NHEJ

CRITÈRES POUR LE CHROMOTHRIPSIS

- 1 Clusterisation des points de cassure
- 2 Variation du nombre de copies sur 2 états
- 3 Alternance de régions avec perte et rétention d'hétérozygotie
- 4 Prédominance des réarrangements sur un seul haplotype
- 5 Ordre et orientation aléatoire des fragments
- 6 Marche de proche en proche sur le chromosome remanié

CRITÈRES POUR LE CHROMOTHRIPSIS

CHROMOANASYNTHESIS

- “chromo” for chromosome and “anasynthesis” for reconstitution
- Dysfonction de la fourche de replication (Liu P, Cell, 2011)
- Mise en jeu de 2 mécanismes de réparation :

MMBIR (*Microhomology-Mediated Break-Induced Replication*)

FoSTEs (*Fork Stalling and Template Switching*)

CHROMOPLEXY

- “chromo” for chromosome and “plexy” for restructuring
- Décrit initialement dans le cancer de la prostate (Baca P, Cell, 2013)

Baca P, Cell, 2013

	Chromothripsis	Chromoanasythesis	Chromoplexy
Nombre d'évènements	Unique	Unique ou multiple	Multiple
Nombre de chromosomes impliqués	Faible (1-4)	Faible (souvent 1)	Multiple (>5)
Anomalies observées	Anomalies équilibrées, délétions	Anomalies équilibrées, délétions, duplications/triplications	Anomalies équilibrées, +/- délétions
Points de cassure	+++	+ (5-25) avec microhomologie	+ (5-25)
Mécanisme de réparation	NHEJ	MMBIR/FoSTes	NHEJ/alt-NHEJ

Chromothripsis
Carcinome Hépatocellulaire

Fernandez-Banet J, Genomics, 2014

Chromoanasythesis

Collins RL, Genome Biology, 2013

Chromoplexy
Myélome multiple

Ashby C, Blood Cancer Journal, 2022

Conséquences du Chromoanagenesis (CAG)

MECANISMES IMPLIQUES

MICRONUCLEI

CRISE TELEMORIQUE

APOPTOSE AVORTEE

Micronuclei (MN)

- Hypothèse privilégiée permettant d'expliquer la nature limitée du CAG
- Origines :
 - Anomalie attachement fuseau mitotique-kinetochore: isolement d'un chromosome en anaphase
 - Cassure double brin : génération de fragment acentrique

Chromothripsis	Chromoanasyntesis
Rupture membrane du MN ↳ exposition à TREX1	Réplication asynchrone ↳ stress réplicatif
Condensation prématurée du chromosome ↳ pulvérisation	

Mammel AE, Seminars in Cell and Developmental Biology, 2022

Micronuclei : phénomène lié au hasard?

- Mis-segregation préférentielle des “grands” chromosomes pendant la mitose
- Corrélation entre mis-ségration et contenu des micronuclei
- Corrélation entre la probabilité d’aneuploïdie et la localisation au sein du noyau
- Corrélation entre la taille des chromosomes et la fréquence de chromothripsis

Crise télomérique

- Reconnaissance aberrante par des mécanismes de réparation des extrémités télomériques -> fusion -> dicentrique
- 2 mécanismes de résolution
 - Force mécanique : simple ou complexe
 - Action de exonuclease TREX1

NHEJ

MMBIR

Cleal K, Genome Research, 2019

Cleal K, Trends in genetics, 2020

Maciejowski, Nature Genetics, 2020

Apoptose avortée

- Basée sur l'anastase :
 - Capacité d'une cellule à inverser l'apoptose
 - Ligation des fragments d'ADN fragmentés
- 2 conditions:
 - Induction de l'apoptose par stress (chimiothérapie, radiation, hypoxie...)
 - Perte du signal d'apoptose : TP53^{-/-}
- Nature localisée des chromoanagenesis?
 - Anastase pourrait survenir dans le micronoyau mais après...
 - Clivage ciblé ou dans les régions de l'ADN les plus exposées

aCGH/SNP-array

- Basé sur l'identification de cluster de CNA
- Description de "profil chromothripsis" dans de nombreuses hémopathies
- Problème de consensus dans les critères utilisés pour la detection du CTH (Zavacka K, , 2021)
- Standardisation avec un outil bioinformatique : **CTLPScanner**

Nombre d'évènements
 Taille minimale événement
 Clusterisation des évènements

Yang J, Nucleic Acids Research, 2016

	SNP-array 5,4% Edelmann 2012	aCGH 4,4% Salaverria 2015	SNP-array 2,7% Parker 2016	aCGH/SNP -array 1,4% Leeksma 2021
CNA/chromosome	1,415,4%	1,372%	6,618,3%	Plus de 80%

Whole Genome Sequencing

- Etude sur 316 WGS (dont 6 MMO)
- Identification des CNA et SV
- Identification précise des points de cassure

Chromothripsis scoring:

Repair process for double-strand breaks	Average number of base pairs of microhomology
Non-homologous end-joining (NHEJ)	0-1 bp*
Alternative end-joining (Alt-EJ)	3-5 bp*
Homologous recombination (HR)	>10 bp*

*For this repair process, this is the average number of base pairs of microhomology observed

ii. Number of oscillating copy-number states

- 2-3 -> canonical
- >3 -> non-canonical

Optical Genome Mapping

- Etude sur 9 LLC préalablement identifiées avec CTH en aCGH/SNP-array (7 changements dans le nombre de copies)
- 1/3 patients : SV associés au CTH intrachromosomiques
- 2/3 patients : SV associés au CTH interchromosomiques

Optical Genome Mapping

- Etude sur 101 SMD
- Détection d'un chromoanagenesis dans 6% des cas

Séquençage Hi-C

- Basé sur l'étude de la conformation de la chromatine
- La probabilité de contact est d'autant plus élevée au point de cassure et diminue avec l'éloignement spatial

Kim K, Seminars in Cell & Developmental Biology, 2022

Visualisation SV sur carte d'interaction

	CGH/SNP array	OGM	WGS	Hi-C
CNA	✓	✓	✓	✓
SV	✗	✓	✓	✓
Points de cassure	✗	✗	✓	✓
Type de Chromoagenesis	Chromothripsis Chromoanasythesis Chromoplexy	Chromothripsis Chromoanasythesis Chromoplexy	Chromothripsis Chromoanasythesis Chromoplexy	Chromothripsis Chromoanasythesis Chromoplexy
Coût	✓	✓	✗	✗